

RNA-Seq データ解析サービス

お持ちのRNA-Seqデータ、
もう一度解析しなおしてみませんか？

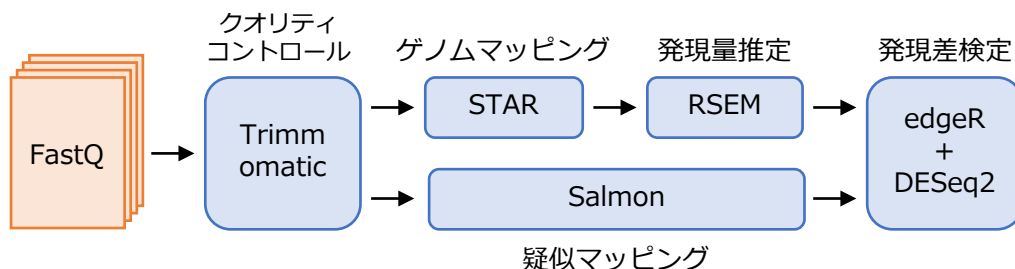
RNA-Seqが一般化してすでに10年以上が経過しています。
その間、シーケンサーの性能は向上し、コストもかなり下がりましたが、
データ解析技術も進化を遂げています。

TopHat → Cufflinksパイプラインはもう古い！

RNA-Seq解析には TopHat → Cufflinks というパイプラインが多く利用されてきましたが、どちらのソフトも既にサポートが終了していること、TopHatの開発者はTopHatの使用をやめ、後継のソフトを使用するよう訴えていることをご存知でしょうか？ TopHat→Cufflinksパイプラインで解析したデータは論文投稿の際もマイナス評価ポイントになる可能性があります。

キュービクスではゲノムマッピングの精度に定評のある①STAR→RSEMパイプラインとゲノムマッピングを介さない②salmonによるパイプラインをおすすめしています。

キュービクスのRNA-Seq発現解析パイプライン



1因子多群間における発現変動遺伝子（トランスクリプト）のリスト作成まで

おすすめパイプラインなら

解析費用 **4 万円/サンプル** (税別)

GO解析、パスウェイ解析、GSEAなど二次解析も承ります（オプション）

お気軽にお問い合わせください

<https://www.kubix.co.jp/>

KUBIX 株式会社キュービクス

電話 076-201-8821